

Figure 1

SEQ ID NO:29	1	MADKE-----NCIRVTRLAKKRAVEAMAASEQQRPS---KKRVVLGEL-----	60
SEQ ID NO:2		-----GIPGVDPV---RPRAV-----	
SEQ ID NO:29	61	-----KNLSSN-----	120
SEQ ID NO:2		-----	
SEQ ID NO:29	121	-----ISSIQTY-----DFSSGPQKQQKNKKNRKAKESL	180
SEQ ID NO:2		-----	
SEQ ID NO:29	181	-----KVEEAGIDVFSQDDPQMGAYVSDIYEYLHKMEMETKRRP	240
SEQ ID NO:2		-----APADLQLSGSYASDIYTYLRSLEVDPPRRS	
SEQ ID NO:29	241	LPDYLDKVQKDVNTANMRGVLIIDLVEVAEEYKLLPDTLYLTYSYIDRFLSMNALSQKQLQ	300
SEQ ID NO:2		RSDYIEAVQADVTAHMRSLVDLVEVAEEYKLVADTLYLTISYVDRFLSVNALGRDKLQ	
SEQ ID NO:29	301	LLGVSSMLIAKYEIEISPPHVEDFCYITDNTYKKEEVVKMEADVLLKFLKFEMGNPTIKTF	360
SEQ ID NO:2		LLGVASMLIAAKFEEISPPHPEDFCYITDNTYTKHEELKMESEILKLLKFELGNPTIKTF	
SEQ ID NO:29	361	LRRLTRVVQDGDKNPNLQFEFLGYVLAELSLLDYGCVKFLPSLIASSVIFLSRFTLQPKV	420
SEQ ID NO:2		LRRFIRSAHEDKKGSILLMEFLGSYLAELSLLDYGCLRFLPSVVAAASVMFVARPDIDPNT	
SEQ ID NO:29	421	HPWNSLLQHNsgyKPADLKECVLIIDHLQLSKRGSSSLAVRDYKQHKFKCVSTLTAPPS	480
SEQ ID NO:2		NPWNTKLQKMTGYKVSELKOCIVAIDHLQLNRKCPSLTAIRDYKQHKFKCVSLILVPVW	
SEQ ID NO:29	481	IPDEFFD---I	492
SEQ ID NO:2		IPTSYPEDLAE.	

Figure 2

SEQ ID NO:30	1	M--RSYRFSDYLHMSVSFSNDMDLFC-----	60
SEQ ID NO:8		M--GDAAAST--SAPTTPTSILIC-----	
SEQ ID NO:10		H--ELTASS--LC-----	
SEQ ID NO:12		M--SVSCLSDY--DLLC-----	
SEQ ID NO:14		-----	
SEQ ID NO:30	61	-----GEDSGV-----FSGESTV-----DFSSEVDSWPGD-----	120
SEQ ID NO:8		-----LEDGSD-----LLADADD-----GAGTDLVVARDELLVVD-----	
SEQ ID NO:10		-----	
SEQ ID NO:12		-----GEDSG-----ILSGESP-----ECSFSDIDSSPPPPSPPT-----	
SEQ ID NO:14		-----ARAG-----IMDS-SP-----ECS-SDLSSPPSEAE-----	
SEQ ID NO:30	121	-----SIACFIEDER-TFVPGHDYLSR----FQ	180
SEQ ID NO:8		-----QDEEYVALLSKES-A-SGGGGPVEE---ME	
SEQ ID NO:10		-----	
SEQ ID NO:12		-----EDCYSIASFIEHER-NFVPGFEYLSR---FQ	
SEQ ID NO:14		-----SIAGFIEDER-NFVPGFEYLSR---FQ	
SEQ ID NO:30	181	TRSLDASARED--SV--AWILKVQAYYNFQPLSAYLAVNYMDRFLYARRLP-ETSGWPMQ	240
SEQ ID NO:8		DWM--KAARSG--CV--RWIIKTTAMFRFGKTAAYAVNYLDRFLAQRNVNRE-HAWGLQ	
SEQ ID NO:10		-WL--Q-----TNAGFRFSLKTAYVAVTYLDRFLARRCVDRL-KEWALQ	
SEQ ID NO:12		SRLDANAREE--SV--GWILKVHAYYGFPPLTAYLAVNYMDRFLDSRRLP-ETNGWPLQ	
SEQ ID NO:14		SRLDASAREE--SV--AWILKVQAYYAFQPVTAIVSNYLDLDRFLNSRPLPPKTNWPLQ	
SEQ ID NO:30	241	LLVACLSLAAKMEELVPSLDFQVAGVKYLFEAKTIKRMELL-----VLSVLDWRL	300
SEQ ID NO:8		LLMVACMSLATKLEEHAPRLSEFPDLDAACEFADSDASILRMELL-----VLGTLEWRM	
SEQ ID NO:10		LLSVACLSLAAKVEERRPPRLPEFKLDM----YDCASLMRMELL-----VLTTLKWM	
SEQ ID NO:12		LVSVACLSLAAKMEELVPSLDDLQIEGAKYIFEPRTIRRMELL-----VLGVLDWRL	
SEQ ID NO:14		LLSVACLSLAAKMEESLPSLDDLQVEGAKYVFEPKTIRRMELL-----VLGVLDWRL	

SEQ ID NO:30	301	RSVTPDFISFFAYKIDLRVPFSGSL-SPMLQSIILSNIKEASFLEY----	360
SEQ ID NO:8		IAVTPFPYISYFAARFRTSA--GRILMRAVECVFAAIKVISSVEX-----	WPSSIATAAAI
SEQ ID NO:10		ITETPFYLNCFATAKFRHDER--KAIVLRAIECIFASIKVISSVGY----	QPSTIALAAI
SEQ ID NO:12		RSVTPLCFLAFFACKVDSTGTFIRFLISRATEIIVSNIQEASFLEY----	WPSCIATAAAI
SEQ ID NO:14		RSVTPFSFLDFFACKLDSTGTFTGFLISRATQIILSNIQEASFLEY----	WPSCIATAAAI
SEQ ID NO:30	361	LCVANELPSLSSVVPNPHEPETWCDGLSKEKIVRCYRLMKAMAIENNRLNTP--	420
SEQ ID NO:8		L-----	KVIAKL
SEQ ID NO:10		L-----	IARNKETAPNLDELSVH
SEQ ID NO:12		LTAANEIPNWS-VVKP-ENAESWCEGLRKEKVI GCYQLMQELVINNNQRKLP	LLKVLPPQL
SEQ ID NO:14		LHAANEIPNWS-LVRP-EHAESWCEGLRKEKVI GCYQLMQELVIDNNQRKPP--	KVLPQL
SEQ ID NO:30	421	RVSVRAS---STLTR--PSDESS-----	470
SEQ ID NO:8		-----	SPCKRRKLSGYSWVGDETSTS-N
SEQ ID NO:10		RLAPWQLMML-----	
SEQ ID NO:12		RVTTRTRMRSSTVSSF--SSSSSTSFSLSCKRRKLNRLNWDD-KGNSE.	
SEQ ID NO:14		RVTISRPIMRSSVSSFLASSSSPSSSSSLSCRRRKLNNLSLWVDDDDKGN	SQ.

Figure 3

SEQ ID NO:31	1	MAADNIYDFVASNLLCTETKSLCFDDVDS--LTISQQNI-----ETKSKOL-SFNN---	60
SEQ ID NO:18		-----	
SEQ ID NO:22		HLRA-----	
SEQ ID NO:31	61	-----GIRSEPLIDLPS-----LSEECLSFMVQREMEFLPKDDYVERLRS--GDLDLS-VRK	120
SEQ ID NO:18		-----DL--FPQSEECVAGLVERERDHMPGPGCYGDRLRG--GGCLC-VRR	
SEQ ID NO:22		-----TRGCP-----RPVRRDHPSSDLTASTK	
SEQ ID NO:31	121	EALDWILKAHMHYGFGELSFCLSYNYLDRFLSLYELPRSKTWTVQLLAVACLSLAAKMEE	180
SEQ ID NO:18		EAVDWIKAYTHHRFRPLTAYLAVNYLDRFLSLSEVPDCKDWMVTQLLAVACVSLAAKMEE	
SEQ ID NO:22		-----MXF-----	
SEQ ID NO:31	181	INVPLTVDLQ-VGDPKFVFEGKTIQRMELLVLSTLKWRMQAYTPYTFIDYFMRKMN--GD	240
SEQ ID NO:18		TAVPQCLDLQEVGDARYVFEAKTVQRMELLVLTLLNWRMHAVTFFSYVDYFLNKLNNGGS	
SEQ ID NO:22		-----EANSAFEARTIKVMELLVFSTLKWRMQAVTACSFIDYFLCKFND--H	
SEQ ID NO:31	241	QIPSRPLISGSMQLILSIIRSIDFLEFRSSEIAAS--VAMSVSGEIQAKOI-DKAMPCFF	300
SEQ ID NO:18		TAPRSCWLLQSAELILRAARGTCVGRFPSEIAAA--VAAAAGDVDDADGVENACC---	
SEQ ID NO:22		DTPSNLAFSCSTDILSTTKXADFLVFRHSEIAGSVLPSFGEHKTSVVEMATTNCK---	
SEQ ID NO:31	301	IHLDKGRVQKVELIQDLTTATTITAA-----AASLVPQSPIGVLEAAACLSTYK	360
SEQ ID NO:18		AHVDKERVLRQCEAIGSMASAAIDDATVPPKSARRRSSPVVPQSPVGVLDAAAPCLSYR	
SEQ ID NO:22		-YINKG--VXCDRKOPD-----EV--LPLWNA-----	
SEQ ID NO:31	361	SGDERTV--GSCTTSSHT-----KRRKLDTSSEHG-----TSE--KL	420
SEQ ID NO:18		SEEAATATATATSAASHGAPGSSSSSTSPVTSKRRKLASRCDCGSCSDRSKRPAQWTK	
SEQ ID NO:22		-----YL-----KFGLRDM-----L	

Figure 4

SEQ ID NO:32	1	MAIEHNEQ--QELSQ-SFLLDALYCEEEEEKWGLVDDETIITPLSSEVTTTTTTT-KP	60
SEQ ID NO:24		-----	
SEQ ID NO:32	61	NSLLPLLLLEQDLFEWDEELLFLSFSKEKETH-CWFNSFQDDSD--LLCSARVDSVEWILK	120
SEQ ID NO:24		-----NSARAAVGVWSR	
SEQ ID NO:32	121	VNGYYGFSALTAVLAINYFDR-FLTSLHYQKD-KPWMIQLAAVTCLSLAAKVEETQVPLL	180
SEQ ID NO:24		AAARLGFSALTAAALAAAYLDRCLPGGALRLGDQPWMARLAAVTCFALAAKVEETRVPL	
SEQ ID NO:32	181	LDFQV-----EDAKYVFEAKTIQRMELLVSSLKWRMNPVTPLSFLDHIIRRLGLRNNIH	240
SEQ ID NO:24		LDLQLYAAADAADPYVFEAKTVRRMELLVLSALGWRMHPVTPFSYLPVLADAATR-----	
SEQ ID NO:32	241	WEFLRRRCENLLLSIMADCRFVRYPSPVLATAIMLHVHQVEPCN--SVDYQNQLLGLVKI	300
SEQ ID NO:24		---LRSCGVLLAVMADWRWPRHRPSPAWAAAAALLITAAAGDGGDGDG---DTELLALINA	
SEQ ID NO:32	301	NKEKVNNCFELISEVCS-K-----PISHKRKYENPS-----HSPSGVID--PIYSS	360
SEQ ID NO:24		PEDKTAECAKIISEVTGMSFLAC-DVGVSAGNKRKHAAAQLYSPPPSPSGVIGALSCFSC	
SEQ ID NO:32	361	ESSN-----DSWDLES-----TSSYF---PVFKKSRVQEQMKLASSIS---RVFV	420
SEQ ID NO:24		ESSTSATAMAAAVGPWAPSASVSVSSSPEPPGRAP-KRAAAAASASASAGVAPPVQVPH	
SEQ ID NO:32	421	EAVGS-----P-----H	439
SEQ ID NO:24		QLPPDEESRDAMPSTCAA.	